

**PLIEGO DE PRESCRIPCIONES TÉCNICAS**

**LICITACIÓN DEL CONTRATO DE SUMINISTRO DE REACTIVOS  
NGS PARA SECUENCIAR 300 LIBRERÍAS TARGETED RNA-SEQ  
PARA EJECUCIÓN DE PROYECTO DE INVESTIGACIÓN POR  
PROCEDIMIENTO SUPERSIMPLIFICADO**

No sujeto a regulación armonizada

**FUNDACIÓN PÚBLICA ANDALUZA PARA LA GESTIÓN DE LA INVESTIGACIÓN EN SALUD  
EN SEVILLA (FISEVI)**

**Expediente: 13/2023**

**Título:** Contrato de suministro de reactivos NGS para secuenciar 300 librerías targeted RNA-seq para ejecución de Proyecto de Investigación

**Código CPV:** 33696000-5 Reactivos y medios de contraste



## **1. Objeto**

constituye el objeto del presente pliego definir las condiciones y características técnicas de contrato de suministro de reactivos ngs para secuenciar 300 librerías targeted rna-seq. en equipos de Illumina,

## **2. Necesidad de la contratación**

El contrato se necesita para llevar a cabo parte del proyecto “ESTUDIO DEL PAPEL DE LA CENTRALIZACIÓN DEL DIAGNÓSTICO ANATOMOPATOLÓGICO Y LA APLICACIÓN DE ESTRATÉGIAS DE MEDICINA DE PRECISIÓN EN SARCOMAS”.

En este proyecto está previsto realizar determinaciones de marcadores diagnósticos mediante secuenciación masiva (NGS) dirigida de ARN (targeted RNA-seq) en muestras de sarcomas con genes de fusión recurrentes, para minimizar así los errores diagnósticos de dichos tumores. En el presupuesto inicial se incluye un objetivo que supone la secuenciación de 276 casos con el fin de valorar su posible impacto diagnóstico.

Esta tecnología es necesaria porque existe una gran variedad de tipos de sarcoma con diferentes genes de fusión y variantes de los mismos. La tecnología targeted RNA-seq permite interrogar todos los genes de fusión y sus variantes conocidas en un único ensayo, así como identificar fusiones no descritas previamente. Esto último es importante porque permitirá afinar más aún en la correcta clasificación molecular de los distintos tipos de sarcoma. La secuenciación debe realizarse con RNA para reducir las lecturas necesarias para la detección de los genes de fusión (serían muchas más en DNA que tiene secuencias intrónicas muy extensas).

## **3. Características técnicas exigidas**

Los reactivos NGS deben ser compatibles con los equipos MiSeq y/o NextSeq de Illumina, que son los disponibles en nuestro centro. Los reactivos deben permitir la secuenciación con lecturas pareadas (paired-end sequencing) de 151 nucleótidos.

Preferiblemente cartuchos para 16 millones de lecturas, que nos permitan secuenciar agrupando 8 casos (2 millones de lecturas por muestra).

NO existe pedido mínimo, sino que se realizará de conformidad con la necesidad del Proyecto.

Caducidad mínima a la fecha de la entrega de 6 meses.